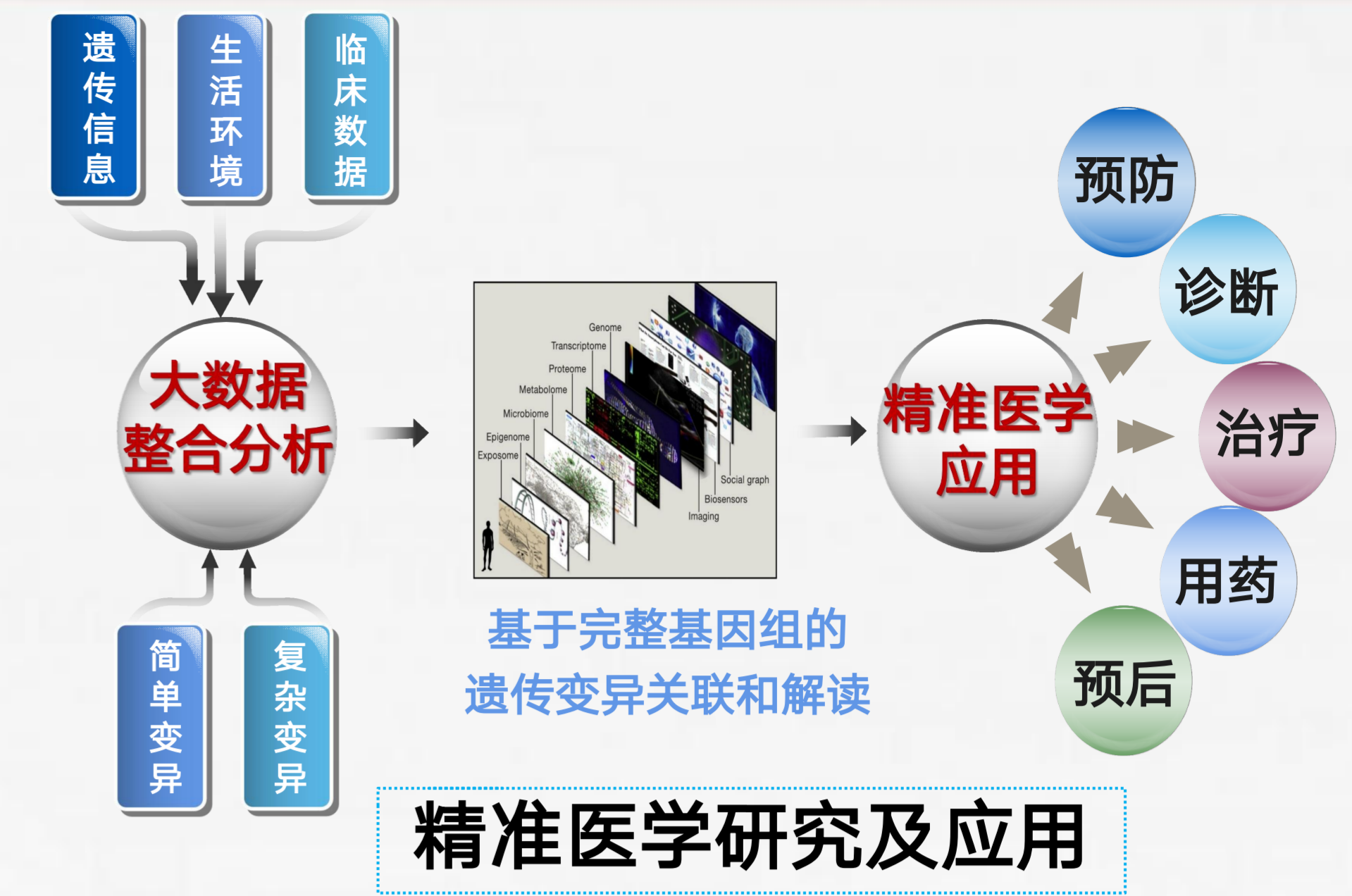


基因组医学 + 人工智能研究



导师介绍



何顺民 研究员, 博士生导师

表观遗传调控与干预全国重点实验室-健康大数据中心主任、首席技术专家

中国生物物理学会人工智能生物学会分会委员; 中国生物物理学会生物医学信息分会副主任委员; 中国神经科学学会神经免疫学分会副主任委员。长期从事生物大数据与人工智能驱动的基因组学研究, 聚焦大规模人群队列多组学解析、复杂遗传变异挖掘及精准医学应用研究。

研究方向



- 百万级中国人群众体分析体系
- 人工智能驱动的复杂疾病遗传分析
- 基因组变异多维解析与临床解读系统
- 面向组学的大模型、智能体开发与应用
- 神经系统疾病AI诊疗系统

代表工作

重复元件变异图谱
2022年发布含中国人群数目最多的全球人群 MEI 变异图谱 (*Nucleic Acids Res*, 2022)

罕见SNV LOF图谱参考面板
中国人群众体低频/罕见/功能丧失型 SNV 图谱和单倍型参考面板 (*Cell Reports*, 2021)

HLA图谱
HLA多样性图谱: 病原适应性及与免疫疾病关联 (*GPB*, 2025)

线粒体变异及核基因组插入图谱
线粒体变异及核基因组插入图谱 (*GPB*, 2025)

进化图谱和变异解析
系统解析基因组正选择信号, 发现生理表型的受选择基因 (*Sci Bull.*, 2023)

基因组非编码调控元件的适应性选择, 及疾病演化影响
基因组非编码调控元件的适应性选择, 及疾病演化影响 (*Mol. Biol. Evol.*, 2024)

基因组非编码变异注释和功能解析系统
TOAnnoPriDB (*Sci Bull.*, 2024)

发布系列国际权威非编码知识库
NPIter 核酸-蛋白互作数据库, NONCODE 非编码数据库, SmProt 小肽数据库, piRBase piRNA数据库

联系方式

欢迎对精准医学研究、人工智能应用、算法开发、人群队列分析感兴趣、对科研有想法的学生参观报名! 联系方式: heshunmin@ibp.ac.cn